· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			
GPFPQRLNQLKSNKDRGTKIFYYSITGPGADSPPEGVFTIEKES	6A.D.D	LDREKIVKYELYGHAVSENGASVEEPMNISIIVTDONDNKPKF (SEQ ID NO:8)LDREKWDSYDLTIKVODGGSPSLSTTITVYCNVLDLNDNAPIFF (SEQ ID NO:9)LDRERWDSYDLTIKVODGGSPPRATSALLRYTVLDTNDNAPKF (SEQ ID NO:10)IDREKDAYVFYAVAKDEYGKPLSYPLEIHVKVKDINDNAPKF (SEQ ID NO:11) GVNTSLNFYELPGMOOYMFNVRVDGQSLVAGVSLAIVNIDDNAPPIT (SEQ ID NO:11) GVNTSLNFYTSPLHIFSVTALDSLPNTHTVTMWOVANWNSRPPRWIDRDTLOREVFPLTIVAYKYDEEAFSTSTNVVIIVTDINDORPEPIDRESELFVOVRATDTLGQPFHTATSOLVIRLNDINNKVPOA	DRED.NDP.F
	MotifE	N V V V V V V V V V V V V V V V V V V V	sus Motif G
mP EC1 fat EC18 pC42 EC2 HPT-1 EC1 BTRcad-1 BTRcad-2 BTRcad-4 BTRcad-6 BTRcad-6 BTRcad-6 BTRcad-9 BTRcad-10	Cadherin Consensus	mP EC1 fat EC18 pC42 EC2 HPT-1 EC1 BTRcad-1 BTRcad-4 BTRcad-4 BTRcad-6 BTRcad-6 BTRcad-6 BTRcad-7 BTRcad-9 BTRcad-9	Cadherin Consen